

2009 március 15. óta elfogadásra került egy PLoS Computational Biology és egy Bioinformatics cikk ami a főleg általam végzett illetve irányított munkákból készült. Ezeket a munkákat K72569 számú OTKA projekt (témavezető: Simon István) finanszírozásával végeztem, és ez szerepel mindkét cikk köszönetnyilvánításában. A leközölt cikkekben egy olyan predikciós módszert írtunk le, amely a rendezetlen fehérjékben található fehérje kötő szegmensek azonosítására használható. A módszerhez elkészítettünk egy nyilvános web szervert is, ami elérhető a <http://anchor.enzim.hu> címen. Jelenleg az itt közölt ANCHOR algoritmus az egyetlen általánosan használható predikciós módszer erre a problémára. A módszert azóta több százan használták már több kísérletes eredmény megtervezését segítette elő.

Mindkettő open access cikk és a Bioinformatics a színes ábrák költségeit még külön felszámítja az open access díjon felül. A két cikk közlésének együttes költsége 4365 USD = 813000 HUF. Mivel a cikkek a publikációs pályázat elnyerése előtt megjelentek, ezért ez a pályázat nem szerepel a köszönetnyilvánításban.

A két cikk elérhető:

1: Mészáros B, Simon I, Dosztányi Z. Prediction of protein binding regions in disordered proteins. PLoS Comput Biol. 2009;5(5):e1000376.

<http://www.ploscompbiol.org/article/info:doi%2F10.1371%2Fjournal.pcbi.1000376>

illetve

2: Dosztányi Z, Mészáros B, Simon I. ANCHOR: web server for predicting protein binding regions in disordered proteins. Bioinformatics. 2009;25(20):2745-2746.

<http://bioinformatics.oxfordjournals.org/cgi/content/full/25/20/2745?view=long&pmid=19717576>